Saatgutmonitoring Winterraps 2018

Die diesjährige experimentelle Saatgutüberwachung von Winterrapssaatgut konnte am 03.08.2018 abgeschlossen werden. Insgesamt wurden 75 Rapspartien auf GVO-Anteile untersucht. Alle Ergebnisse waren negativ. Ziel des Saatgutmonitorings ist die Vermeidung des Inverkehrbringens von Saatgut, das mit gentechnisch veränderten Bestandteilen verunreinigt ist.

Ergebnisse der Untersuchungen von konventionellem Saatgut auf gentechnisch veränderte Beimischungen Fruchtart Winterraps– Vegetationsjahr 2018-Bundesland Schleswig-Holstein

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 20	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 21	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 21	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 21	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 21	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 21	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden:	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 21	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 21	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening)	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
Schleswig-Holstein		Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 22	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 23	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 24	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 24	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden:	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 24	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 24	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 24	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 24	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 24	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 26	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 26	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 26	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 26	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 26	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 26	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 26	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 26	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 26	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 28	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 28	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 28	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 28	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 28	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 28	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 27	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 27	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 29	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 29	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 29	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening)	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 29	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 29	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-	18 17000-GV 29	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
Holstein		Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 29	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 30	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 30	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 30	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 30	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 31	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 31	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 31	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 31	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 31	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 32	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening)	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 32	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 32	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-	18 17000-GV 32	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
Holstein		Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 32	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 33	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 33	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 33	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 33	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS	Erfassungsgrenze <0,1 %

Bundesland	Labornummer	Untersuchungsergebnis / Spezifizierung	Bemerkungen
		bar t-nos pFMV	
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 33	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %
Schleswig-Holstein	18 17000-GV 33	Gentechnische Veränderung wurde **nicht** nachgewiesen Anzahl der analysierten Untersuchungsproben: 1 Anzahl der positiven Untersuchungsproben: 0 Anzahl der Samen in der Untersuchungsprobe: 3000 Art der Nachweise: qualitativ (Screening) Verwendete Prüfmethoden: p35S-pat p35S-nptII CP4-EPSPS bar t-nos pFMV	Erfassungsgrenze <0,1 %